

---

---

**Modélisation de la distribution potentielle du Typha au Sénégal avec Maxent : pipeline reproductible de préparation des données.**

---

Mamadou Lamine DIAGNE

Université Iba Der THIAM, Sénégal, couragelamine@gmail.com.

Ce travail présente la mise en place d'un pipeline reproductible pour la modélisation de la distribution potentielle d'espèces avec Maxent, illustré par le cas du Typha au Sénégal. L'environnement technique est configuré sous R avec Java (rJava) et les packages clés (dismo, ENMeval, raster/terra, sf, rgbif), tandis qu'une arborescence de projet normalisée (DS2025/Case\_Study) structure données, sorties et scripts. Les prédicteurs environnementaux proviennent de WorldClim v2.1 (résolution 30") et incluent les variables BIO2, BIO3, BIO4, BIO5, BIO6, BIO7 et BIO8. La zone d'étude est définie par un shapefile national ("study\_area"), reprojété pour correspondre aux rasters puis utilisé pour le rognage et le masquage. Les occurrences d'espèces sont destinées à être nettoyées (coordonnées manquantes, doublons spatiaux) avant la calibration et l'évaluation du modèle (avec ENMeval). Une grille d'analyse et ses centroïdes sont générés pour les étapes futures d'échantillonnage et de validation spatiale. L'ensemble jette les bases d'une chaîne transparente et reproductible, depuis la préparation des données jusqu'aux sorties cartographiques et diagnostics du modèle.